

# マウス表現型解析開発チーム

Technology and Development Team for Mouse Phenotype Analysis: Japan Mouse Clinic



チームリーダー 若菜 茂晴 (農博)  
Shigeharu WAKANA, Ph.D.

## ミッションと事業概要

マウス表現型解析開発チームは、ヒト疾患の病態の理解に基づいて400に及ぶ検査項目を含んだ体系的かつ網羅的な表現型解析プラットフォームを構築し、国内外の突然変異マウス系統について表現型解析を実施してリソースの付加価値をより一層向上させ、マウスリソースの整備および知的基盤整備に寄与する。さらに国際マウス表現型解析コンソーシアム (IMPC: International Mouse Phenotyping Consortium) に参画して、マウス表現型解析整備事業について国際貢献する。

We have constructed a systematic and comprehensive phenotypic platform including about 400 items based on an understanding of human disease, and have performed various phenotypic analysis about the mouse resources deposited mainly at RIKEN BioResource Center. New phenotypes that can be used as models to evaluate human disease are expected to be found among these mouse lines. We are cooperating with the international large-scale projects to analyze mouse phenotypes including Asian mouse phenotype facilities, and have joined the International Mouse Phenotyping Consortium (IMPC) for the international contribution to the improvement of mouse phenotypic analyses. Finally, we are contributing to the infrastructural development of mouse resources to upgrade the added value by correlating mouse phenotypic data with clinical data for human disease.

## 平成25年度の成果

### Development of Technology in 2013-2014

#### (1) マウスクリニックスシステムの運用

クライアントからの受付、検査マウスシステムの導入から生産、表現型検査、さらにデータの解析と外部へのデータ開示までの一連の体制を運用している。なお、日本マウスクリニクの検査体制は疾患モデル評価研究開発チームと共同で運営されている。

##### ① 検査動物導入体制

ヒト疾患モデル開発研究棟はSPF(Specific Pathogen Free)での運用なので検査用マウスの微生物的・遺伝学的統御を厳重にするため外部機関からのマウス導入においては、体外受精・受精卵移植法により、微生物クリーニングを実施し、導入遺伝子の確認と同時にゲノムスキャンニングによる遺伝的背景のチェックを実施している。

##### ② マウスクリニック検査体制

基本検査パイプライン (Fig. 1) と行動検査パイプラインによって構成されている。

##### ③ マウスクリニック検査実績

日本マウスクリニックでは平成25年度までに140系統のマウス導入を行い、うち131系統についてマウスクリニック検査を終了した。

#### (1) Management of a system for the Japan Mouse

#### Clinic system

Management of a system for the Japan Mouse Clinic system  
We are managing a system for the Japan Mouse clinic based on a sequential process: receipt of an examination request, introduction and production of mouse resources, comprehensive phenotyping, phenotypic data analyses, and publication of the data to our website.

##### ① Systematic introduction and production of mice for the Japan Mouse Clinic

We are conducting a system for introducing mice to the Japan Mouse Clinic based on microbiological, genetic and mouse housing conditions. The introduction of mice to the facility is performed by in vitro fertilization (IVF) using fresh or cryopreserved sperm from a male or cryopreserved embryo. We also perform whole genome scan to check the genetic background of the mice. Finally, congenic mouse strains with a uniform genetic background are required for a comprehensive phenotyping.

##### ② Construction of a pipeline for 'Fundamental screening' and 'Behavioral screen' in the Japan Mouse Clinic

We have constructed a "phenotypic platform pipeline 1" in the Japan Mouse Clinic for 'Fundamental screening' (Fig. 1). For a behavior-oriented pipeline 2, a multidirectional assay platform is generally necessary to assess behavioral characteristics. We have established an additional pipeline that is oriented toward behavioral characterization.

Fig. 1 The workflow of pipeline 1 in Japan Mouse Clinic- Fundamental screen-

A total of 140 lines had been introduced to the Japan Mouse Clinic as of February 2014. A total of 131 lines have completed platform testing in the Japan Mouse Clinic.

マウスクリニックにおける表現型解析結果閲覧アプリケーション Pheno-pub (<http://phenopub.brc.riken.jp/>)を開発してユーザへの便宜を図っている。

We have developed an application called “Pheno-Pub”, which shows the phenotypic information of various mouse resources screened at the Japan Mouse Clinic (<http://phenopub.brc.riken.jp/>).

国際マウス表現型解析コンソーシアム (IMPC) に参画し、マウス全遺伝子 KO マウスを分担しての基本的な表現型を世界共通の基準で解析を実施する (Fig. 2)。

We have joined the IMPC (International Mouse Phenotyping Consortium) for analyzing all of gene deficient mouse lines based on similar mouse phenotyping protocol among mouse facilities in the world(Fig. 2).

ゲノムスキャンニングシステムの開発：  
ゲノムワイドな 192SNPs マーカーによる系統の遺伝背景の検出可能なホールゲノムスキャンニングシステムを確立し、検査マウスの遺伝的背景の検査を実施している。

Whole Genome Scanning system for checking the genetic background of mice;

We have developed a SNPs-based whole genome scanning system to check the genetic background of mouse strains. The system consists in 192 SNP markers, including Y chromosome, mitochondrial DNA markers and introduced Genes, using TaqMan MGB technologies.

最先端開発支援プログラム「高次精神活動の分子基盤解明とその制御法の開発」(中心研究者:筑波大学テキサス大学柳沢正史先生)に参画し、ENUミュータジェネシスによる睡眠異常モデルマウスの開発を行った。

Fig. 2 IMPC Mouse Phenotyping Pipeline

We participate the Funding Program for World-Leading Innovative R&D on Science and Technology (FIRST Program) which is titled "Molecular Mechanism and Control of Complex Behaviors" operated by Prof. Masashi Yanagisawa of Tsukuba University and Texas University.

## Members

- チームリーダー [Team Leader]  
若菜 茂晴 Shigeharu WAKANA, Ph.D.

---

  - 開発研究員 [Research & Development Scientist]  
金田 秀貴 Hideki KANEDA, Ph.D. 田村 勝 Masaru TAMURA, Ph.D.  
古瀬 民生 Tamio FURUSE, Ph.D. 鈴木 智広 Tomohiro SUZUKI, Ph.D.

---

  - 開発技師 [Technical Scientist]  
小林 喜美男 Kimio KOBAYASHI 三浦 郁生 Ikuo MIURA  
山田 郁子 Ikuko YAMADA, Ph.D.

---

  - テクニカルスタッフ II [Technical Staff II]  
串田 知子 Tomoko KUSHIDA 池田 恭子 Kyoko IKEDA  
尾崎 藍 Ai OZAKI 鈴木 智草 Chigusa SUZUKI  
中村 千佳 Chika NAKAMURA 篠木 晶子 Akiko SHINOBI  
小澤 恵代 Yasuyo KOZAWA

---

  - アシスタント [Assistant]  
佐谷 昌子 Masako SAYA 神谷 直美 Naomi KAMIYA

---

  - 研究嘱託 [Research Consultant]  
木南 凌 Ryo KOMINAM, Ph.D.

---

  - 研究生 [Research Fellow]  
Te-Ping SUN, Ph.D. Wei-Wei CHIANG  
Hae-Rim KIM Mihyun NAM, Ph.D.  
Jeyoung Ryu, Ph.D.

---

  - 研修生 [Student Trainee]  
Mohammad Sarowar HOSSAIN

---

  - 派遣職員 [Office Staff]  
白田 大輝 Daiki USUDA 廣田 和之 Kazuyuki HIROTA  
柏村 実生 Misho KASHIMURA

---

  - パートタイマー [Part-Timer]  
木村 京子 Kyoko KIMURA 金 丹順 Dan Shun JIN

